

Supplementary Materials

A network of 17 microtubule-related genes highlights functional deregulations in breast cancer

RODRIGUES-FERREIRA Sylvie, MORIN Morgane, GUICHAOUA Gwenn, MOINDJIE Hadia, HAYKAL Maria, COLLIER Olivier, STOVEN Veronique, NAHMIAS Clara.

Legends to Supplemental Figures

Supplemental Figure S1: Expression of 17 MT-Rel genes in breast tumors and normal tissues.

Proportions of tumor samples that show higher expression of the selected genes compared to adjacent normal samples at each of the quantile cutoff values (minimum Min, 1st quartile Q1, median Med, 3rd quartile Q3, maximum Max). Specificity (in red) is calculated by dividing the number of tumor samples (T) with the sum of tumor and normal samples (T+N) as described in [1].

Supplemental Figure S2: Survival curves of breast cancer patients according to MT-Rel gene expression level.

(A) Overall survival curves of breast cancer patients according to the 17 MT-Rel genes probeset intensities from kmplotter (kmplot.com). **(B)** Relapse-free survival curves as in **(A)**. For each gene, the best probeset was used (Jetset) and the best cut-off was selected to distinguish between tumors expressing low and high levels of the gene.

Legends to Supplemental Tables

Supplemental Table S1. Differential expression of 17 MT-Rel genes in breast tumor samples relative to adjacent normal tissues.

Median fold change and associated Mann-Whitney p-value were determined for each MT-Rel gene in 112 breast tumors and adjacent normal tissues from TNMplot.org.

Supplemental Table S2. Pearson's correlation (r) values and associated p-values in normal breast tissues.

p-values that do not reach significance are indicated in grey. Genes are ordered according to their fold change in breast tumor vs normal tissue as shown in Fig. 1B.

Supplemental Table S3. Pearson's correlation (r) values and associated p-values in breast tumors.

p values that do not reach significance are indicated in grey. Genes are ordered as in Suppl Table S2.

Supplemental Table S4. Overall survival (OS) and Relapse-free survival (RFS) analysis in breast cancer patients.

Best probeset and best cut-off for each gene were determined from kmplot.com. HR: Hazard Ratio; CI: Confidence Interval; n: number of patients analyzed. Genes are ordered as in Suppl Table S2.

Supplemental Table S5. Functional consequences of MT-Rel silencing on breast cancer cell viability.

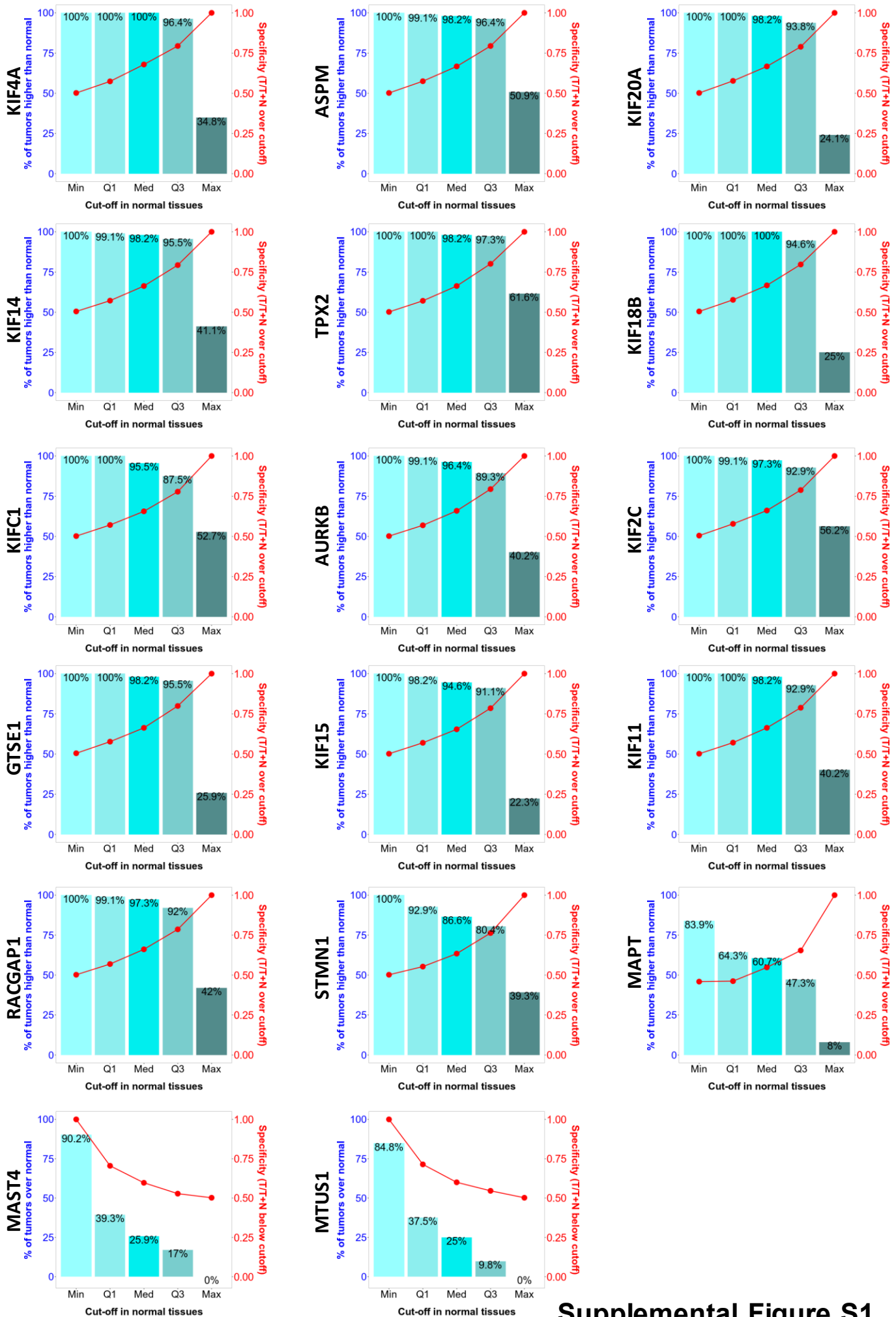
Mean fold change and standard error mean (sem) in cell viability of breast cancer cell lines MDA-MB-231 and MDA-MB-468 following silencing of 14 overexpressed MT-Rel genes by siRNA screening. Significant p-values are indicated in blue. Shown are the results of four independent experiments performed in quadruplicate. Results are normalized to control siRNA.

Supplemental Table S6. DepMap analysis of MT-Rel gene depletion on viability of 47 breast cancer cell lines.

Chronos dependency score values across the 47 breast cancer cell lines. Genes are presented by alphabetical order.

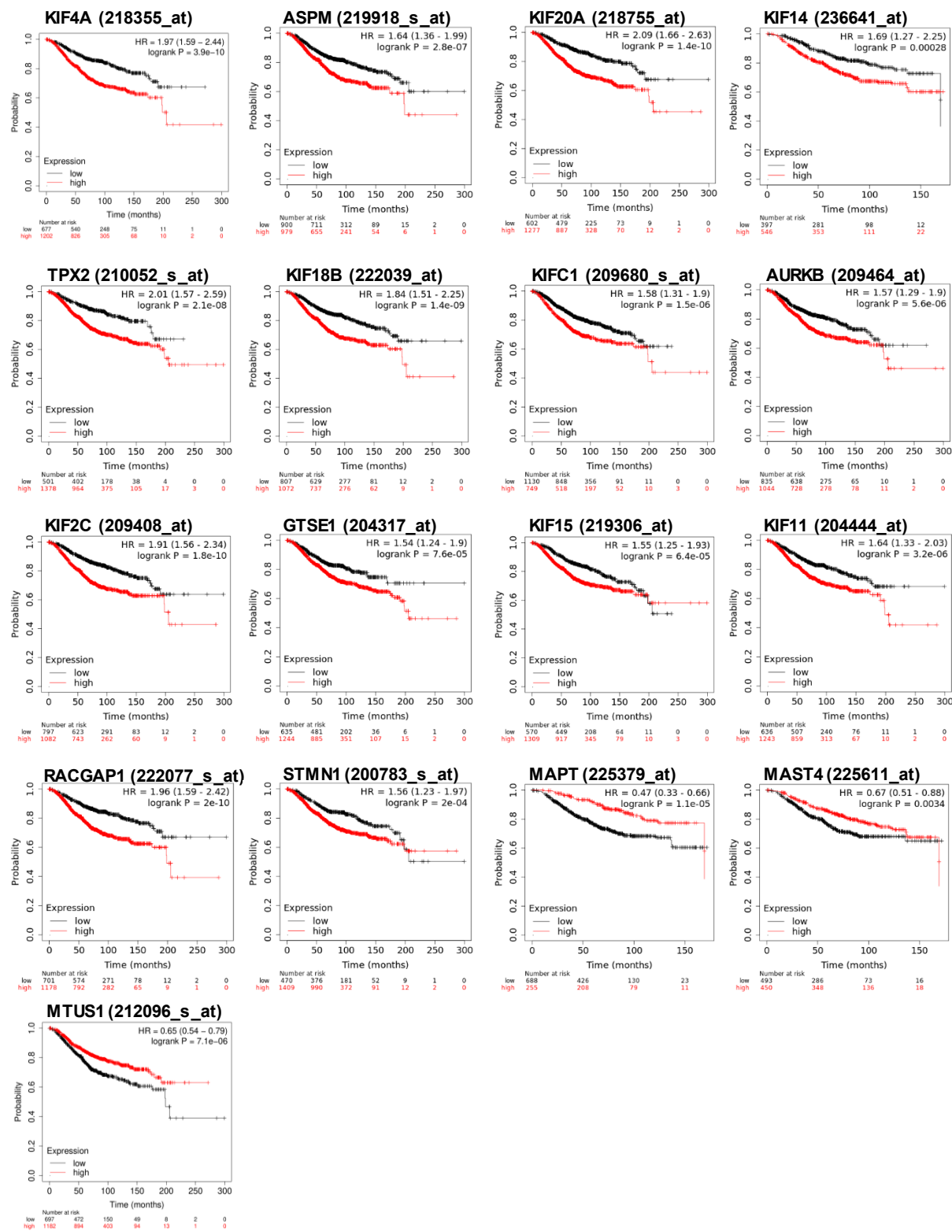
Reference

1. Bartha, Á.; Györffy, B. TNMplot.com: A Web Tool for the Comparison of Gene Expression in Normal, Tumor and Metastatic Tissues. *Int. J. Mol. Sci.* **2021**, *22*, doi:10.3390/ijms22052622.

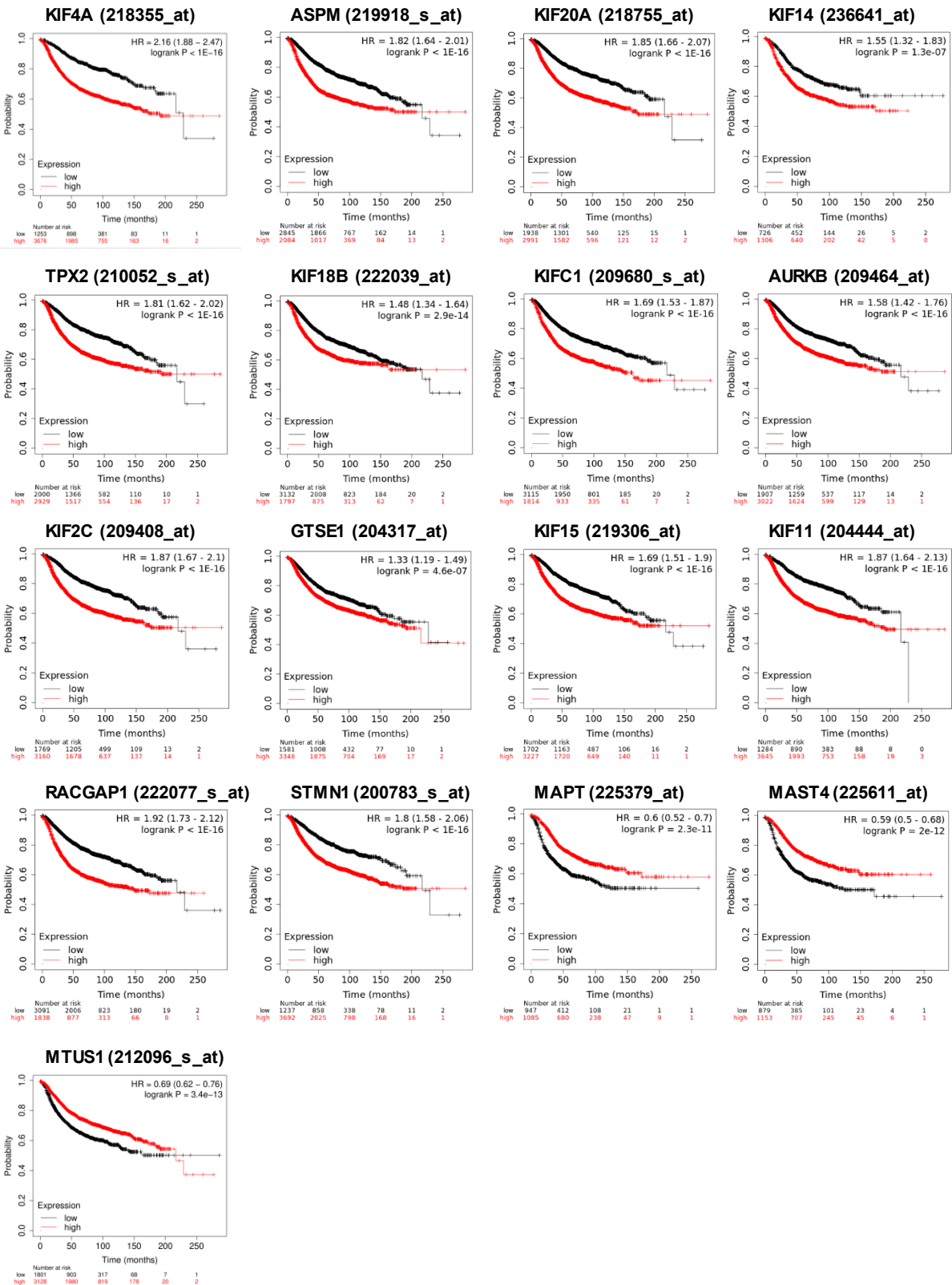


Supplemental Figure S1

Overall Survival (OS)



Relapse-Free Survival (RFS)



Supplemental Figure S2B

Gene	Fold change (Median)	Mann-Whitney p-value
KIF4A	17,79	$8,57 \cdot 10^{-20}$
ASPM	14,66	$9,67 \cdot 10^{-20}$
KIF20A	13,01	$3,59 \cdot 10^{-19}$
KIF14	12,27	$4,05 \cdot 10^{-19}$
TPX2	11,72	$4,38 \cdot 10^{-20}$
KIF18B	11,45	$5,36 \cdot 10^{-20}$
KIFC1	8,19	$6,22 \cdot 10^{-20}$
AURKB	8,05	$5,98 \cdot 10^{-19}$
KIF2C	7,89	$4,88 \cdot 10^{-20}$
GTSE1	7,16	$1,81 \cdot 10^{-19}$
KIF15	5,45	$7,97 \cdot 10^{-19}$
KIF11	5,18	$3,23 \cdot 10^{-19}$
RACGAP1	3,61	$2,12 \cdot 10^{-19}$
STMN1	2,52	$3,39 \cdot 10^{-17}$
MAPT	1,44	$8,46 \cdot 10^{-4}$
MAST4	0,68	$1,39 \cdot 10^{-4}$
MTUS1	0,66	$1,39 \cdot 10^{-6}$

Supplemental Table S1: Differential expression of 17 MT-Rel genes in breast tumor samples relative to adjacent normal tissues.

(A) Pearson (r)	KIF4A	ASPM	KIF20A	KIF14	TPX2	KIF18B	KIFC1	AURKB	KIF2C	GTSE1	KIF15	KIF11	RACGAP1	STMN1	MAPT	MAST4	MTUS1
KIF4A	1	0,819	0,890	0,854	0,795	0,938	0,745	0,715	0,762	0,817	0,880	0,696	0,707	0,377	0,175	- 0,177	- 0,115
ASPM		1	0,795	0,842	0,865	0,809	0,718	0,780	0,748	0,764	0,834	0,743	0,679	0,381	0,114	- 0,230	- 0,066
KIF20A			1	0,780	0,796	0,922	0,764	0,753	0,731	0,848	0,878	0,699	0,694	0,366	0,143	- 0,203	- 0,104
KIF14				1	0,748	0,800	0,653	0,610	0,630	0,696	0,814	0,655	0,720	0,446	0,147	- 0,131	- 0,086
TPX2					1	0,814	0,726	0,743	0,808	0,790	0,798	0,712	0,660	0,338	0,159	- 0,263	- 0,148
KIF18B						1	0,776	0,797	0,752	0,883	0,911	0,720	0,677	0,359	0,150	- 0,211	- 0,115
KIFC1							1	0,736	0,739	0,758	0,751	0,702	0,595	0,477	0,240	- 0,199	- 0,070
AURKB								1	0,748	0,819	0,799	0,780	0,492	0,479	0,073	- 0,309	- 0,110
KIF2C									1	0,752	0,713	0,672	0,614	0,362	0,205	- 0,234	- 0,118
GTSE1										1	0,845	0,709	0,572	0,366	0,096	- 0,191	- 0,149
KIF15											1	0,793	0,646	0,377	0,118	- 0,143	- 0,060
KIF11												1	0,548	0,318	0,192	- 0,211	0,015
RACGAP1													1	0,246	0,233	- 0,101	- 0,027
STMN1														1	- 0,012	- 0,109	- 0,100
MAPT															1	- 0,077	0,119
MAST4																1	0,027
MTUS1																	1

(B) p values	KIF4A	ASPM	KIF20A	KIF14	TPX2	KIF18B	KIFC1	AURKB	KIF2C	GTSE1	KIF15	KIF11	RACGAP1	STMN1	MAPT	MAST4	MTUS1
KIF4A		2,76E-28	2,18E-39	5,54E-33	1,13E-25	2,13E-52	4,66E-21	7,86E-19	1,81E-22	4,16E-28	2,27E-37	1,59E-17	2,85E-18	4,19E-05	0,06	0,06	0,23
ASPM			1,18E-25	2,76E-31	1,00E-34	4,10E-27	4,87E-19	4,27E-24	2,44E-21	1,09E-22	3,31E-30	7,15E-21	1,99E-16	3,32E-05	0,23	0,01	0,49
KIF20A				4,29E-24	1,06E-25	4,64E-47	1,20E-22	9,95E-22	5,43E-20	3,59E-32	4,71E-37	9,94E-18	2,21E-17	7,31E-05	0,13	0,03	0,28
KIF14					2,43E-21	3,63E-26	6,06E-15	9,24E-13	9,88E-14	1,52E-17	9,10E-28	4,80E-15	3,71E-19	8,45E-07	0,12	0,17	0,37
TPX2						1,17E-27	1,28E-19	6,36E-21	4,65E-27	4,17E-25	5,87E-26	1,38E-18	2,63E-15	2,69E-04	0,09	0,01	0,12
KIF18B							8,52E-24	7,57E-26	1,26E-21	5,09E-38	3,45E-44	3,92E-19	2,46E-16	1,04E-04	0,11	0,03	0,23
KIFC1								2,32E-20	1,42E-20	4,22E-22	1,60E-21	6,43E-18	4,66E-12	1,08E-07	0,01	0,04	0,46
AURKB									2,83E-21	2,84E-28	4,47E-26	4,15E-24	3,54E-08	9,26E-08	0,44	9,09E-04	0,25
KIF2C										1,22E-21	1,15E-18	5,08E-16	5,83E-13	8,69E-05	0,03	0,01	0,22
GTSE1											1,01E-31	2,19E-18	4,59E-11	7,07E-05	0,31	0,04	0,12
KIF15												1,86E-25	1,42E-14	4,25E-05	0,22	0,13	0,53
KIF11													3,94E-10	6,31E-04	0,04	0,03	0,88
RACGAP1														8,94E-03	0,01	0,29	0,78
STMN1															0,90	0,25	0,29
MAPT																0,42	0,21
MAST4																	0,78
MTUS1																	

Supplemental Table S2: Pearson's correlation (r) values **(A)** and associated p-values **(B)** in normal breast tissues.

(A) Pearson (r)	KIF4A	ASPM	KIF20A	KIF14	TPX2	KIF18B	KIFC1	AURKB	KIF2C	GTSE1	KIF15	KIF11	RACGAP1	STMN1	MAPT	MAST4	MTUS1
KIF4A	1	0,558	0,602	0,412	0,627	0,641	0,600	0,628	0,722	0,538	0,649	0,647	0,555	0,575	-0,143	-0,101	-0,225
ASPM		1	0,558	0,531	0,428	0,504	0,500	0,441	0,607	0,548	0,533	0,568	0,347	0,532	-0,177	-0,038	-0,187
KIF20A			1	0,449	0,553	0,612	0,545	0,596	0,665	0,463	0,610	0,515	0,470	0,667	-0,162	-0,113	-0,284
KIF14				1	0,459	0,416	0,437	0,460	0,459	0,593	0,487	0,576	0,472	0,389	-0,076	-0,057	-0,116
TPX2					1	0,683	0,632	0,794	0,716	0,447	0,644	0,639	0,520	0,590	-0,190	-0,159	-0,222
KIF18B						1	0,714	0,671	0,703	0,468	0,781	0,566	0,536	0,538	-0,057	0,009	-0,236
KIFC1							1	0,626	0,598	0,581	0,673	0,557	0,524	0,482	-0,145	-0,068	-0,240
AURKB								1	0,725	0,464	0,640	0,619	0,547	0,644	-0,268	-0,280	-0,298
KIF2C									1	0,563	0,697	0,588	0,494	0,785	-0,119	-0,230	-0,289
GTSE1										1	0,501	0,497	0,389	0,441	-0,123	-0,143	-0,134
KIF15											1	0,675	0,632	0,591	-0,029	0,020	-0,165
KIF11												1	0,665	0,491	-0,132	0,074	-0,203
RACGAP1													1	0,468	-0,044	-0,070	-0,180
STMN1														1	-0,154	-0,157	-0,286
MAPT															1	0,372	0,082
MAST4																1	0,029
MTUS1																	1

(B) p values	KIF4A	ASPM	KIF20A	KIF14	TPX2	KIF18B	KIFC1	AURKB	KIF2C	GTSE1	KIF15	KIF11	RACGAP1	STMN1	MAPT	MAST4	MTUS1
KIF4A		1,65E-10	2,13E-12	6,42E-06	1,33E-13	2,58E-14	2,70E-12	1,22E-13	2,69E-19	9,30E-10	1,02E-14	1,26E-14	2,11E-10	3,51E-11	0,133	0,289	0,017
ASPM			1,68E-10	1,78E-09	2,50E-06	1,50E-08	1,96E-08	1,12E-06	1,31E-12	3,89E-10	1,50E-09	6,62E-11	1,82E-04	1,58E-09	0,061	0,691	0,048
KIF20A				7,04E-07	2,57E-10	7,82E-13	5,38E-10	4,24E-12	1,21E-15	2,81E-07	9,74E-13	6,17E-09	1,74E-07	9,98E-16	0,088	0,236	0,002
KIF14					3,63E-07	5,01E-06	1,50E-06	3,35E-07	3,67E-07	5,60E-12	5,11E-08	3,11E-11	1,49E-07	2,24E-05	0,428	0,552	0,223
TPX2						1,11E-16	7,50E-14	1,51E-25	7,68E-19	7,88E-07	1,96E-14	3,42E-14	4,16E-09	7,87E-12	0,045	0,093	0,019
KIF18B							9,14E-19	5,96E-16	5,74E-18	1,93E-07	3,04E-24	7,89E-11	1,11E-09	9,22E-10	0,549	0,925	0,012
KIFC1								1,65E-13	3,39E-12	1,92E-11	4,12E-16	1,84E-10	3,10E-09	7,50E-08	0,127	0,475	0,011
AURKB									1,48E-19	2,50E-07	3,12E-14	3,38E-13	4,19E-10	1,94E-14	0,004	0,003	0,001
KIF2C										1,07E-10	1,42E-17	9,23E-12	3,15E-08	1,16E-24	0,211	0,015	0,002
GTSE1											1,89E-08	2,41E-08	2,19E-05	1,11E-06	0,197	0,133	0,158
KIF15												3,20E-16	7,47E-14	6,96E-12	0,759	0,835	0,081
KIF11													1,21E-15	3,97E-08	0,166	0,436	0,032
RACGAP1														1,92E-07	0,648	0,466	0,057
STMN1															0,104	0,097	0,002
MAPT																0,000	0,393
MAST4																	0,759
MTUS1																	

Supplemental Table S3: Pearson's correlation (r) values **(A)** and associated p-values **(B)** in breast tumors.

		OS				RFS				Bad Prognosis
Gene	Affy ID	HR	CI	P value	n	HR	CI	P value	n	Expression level
KIF4A	218355_at	1,97	1,59-2,44	3.9e-10	1879	2,16	1,88-2,47	<1e-16	4929	High
ASPM	219918_s_at	1,64	1,36-1,99	2.8e-7	1879	1,82	1,64-2,01	<1e-16	4929	High
KIF20A	218755_at	2,09	1,66-2,63	1.4e-10	1879	1,85	1,66-2,07	<1e-16	4929	High
KIF14	236641_at	1,69	1,27-2,25	2.8e-4	943	1,55	1,32-1,83	1.3e-7	2032	High
TPX2	210052_s_at	2,01	1,57-2,59	2.1e-8	1879	1,81	1,62-2,02	<1e-16	4929	High
KIF18B	222039_at	1,84	1,51-2,25	1.4e-9	1879	1,48	1,34-1,64	2.9e-14	4929	High
KIFC1	209680_s_at	1,58	1,31-1,9	1.5e-6	1879	1,69	1,53-1,87	<1e-16	4929	High
AURKB	209464_at	1,57	1,29-1,9	5.6e-6	1879	1,58	1,42-1,76	<1e-16	4929	High
KIF2C	209408_at	1,91	1,56-2,34	1.8e-10	1879	1,87	1,67-2,1	<1e-16	4929	High
GTSE1	204317_at	1,54	1,24-1,9	7.6e-5	1879	1,33	1,19-1,49	4.6e-7	4929	High
KIF15	219306_at	1,55	1,25-1,93	6.4e-5	1879	1,69	1,51-1,9	<1e-16	4929	High
KIF11	204444_at	1,64	1,33-2,03	3.2e-6	1879	1,87	1,64-2,13	<1e-16	4929	High
RACGAP1	222077_s_at	1,96	1,59-2,42	2.0e-10	1879	1,92	1,73-2,12	<1e-16	4929	High
STMN1	200783_s_at	1,56	1,23-1,97	2.0e-4	1879	1,8	1,58-2,06	<1e-16	4929	High
MAPT	225379_at	0,47	0,33-0,66	1.1e-5	943	0,6	0,52-0,7	2.3e-11	2032	Low
MAST4	225611_at	0,67	0,51-0,88	0.0034	943	0,59	0,5-0,68	2.0e-12	2032	Low
MTUS1	212096_s_at	0,65	0,54-0,79	7.1e-6	1879	0,69	0,62-0,76	3.4e-13	4929	Low

Supplemental Table S4: Overall survival (OS) and Relapse-free survival (RFS) analysis in breast cancer patients.

	MDA-MB-231			MDA-MB-468		
	mean	sem	pvalue	mean	sem	pvalue
KIF4A	1,042	0,049	0,9995	1,017	0,094	0,9999
ASPM	0,768	0,042	0,4024	0,472	0,020	0,0338
KIF20A	0,977	0,103	0,9997	0,889	0,220	0,999
KIF14	0,930	0,093	0,9991	0,856	0,158	0,9892
TPX2	0,395	0,026	0,0001	0,247	0,022	0,0008
KIF18B	0,803	0,088	0,5984	1,080	0,252	0,9993
KIFC1	0,410	0,086	0,0002	0,253	0,097	0,0009
AURKB	0,430	0,097	0,0003	0,298	0,069	0,002
KIF2C	0,807	0,055	0,6272	0,545	0,073	0,0942
GTSE1	0,849	0,114	0,8637	0,536	0,074	0,0832
KIF15	0,868	0,132	0,9366	0,373	0,094	0,0071
KIF11	0,312	0,100	<0,0001	0,018	0,006	<0,0001
RACGAP1	0,621	0,111	0,0317	0,852	0,183	0,9876
STMN1	0,715	0,081	0,1841	0,561	0,072	0,1151

Supplemental Table S5: Functional consequences of MT-Rel silencing on breast cancer cell viability.

Breast cancer cell line	DepMap_ID	ASPM	AURKB	GTSE1	KIF2C	KIF4A	KIF11	KIF14	KIF15	KIF18B	KIF20A	KIFC1	RACGAP1	STMN1	TPX2
21NT	ACH-002399	-0,43	-2,10	-0,21	-0,49	-0,77	-2,97	-0,34	-0,24	-0,48	-0,49	-0,48	-1,81	0,09	-1,91
AU565	ACH-000248	-0,12	-2,65	-0,02	-0,35	-0,73	-2,48	-0,44	-0,10	-0,31	-0,35	-0,06	-1,33	0,15	-2,06
BT549	ACH-000288	-0,06	-2,90	-0,13	-0,50	-0,55	-2,70	-0,39	-0,26	-0,95	-0,75	-0,90	-1,72	0,03	-1,07
CAL120	ACH-000212	-0,85	-2,63	-0,04	-0,47	-0,47	-3,17	-0,14	-0,08	-0,42	-0,74	-0,25	-1,51	0,08	-1,75
CAL51	ACH-000856	-0,32	-2,15	-0,24	-0,32	-0,50	-2,50	-0,58	-0,21	-0,84	-0,68	-0,13	-1,40	-0,03	-1,16
CAMA1	ACH-000783	0,02	-2,52	-0,25	-0,14	-0,60	-3,47	-0,77	-0,15	-0,59	-0,79	-0,10	-1,27	0,06	-1,89
DU4475	ACH-000258	0,00	-1,49	-0,06	-0,90	-0,34	-2,59	-0,27	-0,10	-1,01	-0,62	-0,34	-1,72	-0,01	-1,86
EFM19	ACH-000330	-0,08	-1,62	-0,68	-0,18	-0,33	-3,17	-0,36	-0,26	-0,13	-0,45	-0,33	-1,34	0,08	-1,17
EVSAT	ACH-001065	-0,33	-2,58	-0,48	-1,28	-0,51	-2,84	-0,29	-0,09	-1,11	-0,72	0,02	-2,40	0,01	-0,75
HCC1143	ACH-000374	-0,30	-1,93	-0,35	-0,51	-0,09	-3,27	-0,57	-0,42	-0,77	-0,49	-0,29	-1,31	-0,13	-1,23
HCC1187	ACH-000111	-0,09	-2,91	-0,26	-0,40	-0,36	-2,32	-0,43	0,40	-0,05	-0,78	0,13	-1,82	0,25	-1,15
HCC1395	ACH-000699	-0,52	-1,98	-0,40	-0,48	-0,80	-3,81	-0,14	-0,40	-0,43	-0,94	-0,21	-1,61	-0,10	-1,93
HCC1419	ACH-000277	-0,16	-2,03	-0,10	-0,34	-0,83	-2,54	-1,17	-0,14	-0,25	-0,60	-0,30	-1,29	0,29	-1,00
HCC1428	ACH-000352	-0,50	-2,22	-0,12	-0,16	-0,50	-3,07	-0,30	0,01	-0,21	-0,40	-0,09	-1,42	-0,24	-1,46
HCC1806	ACH-000624	-0,29	-2,99	-0,11	-0,15	-0,36	-3,35	-0,62	-0,20	-0,25	-0,81	-0,06	-1,61	0,00	-1,15
HCC1937	ACH-000223	-0,30	-2,09	-0,18	-0,53	-0,53	-2,75	-0,61	-0,20	-0,49	-0,94	-0,17	-1,33	-0,01	-0,99
HCC1954	ACH-000859	-0,23	-2,05	-0,33	-0,17	-0,76	-3,25	-0,51	-0,21	-0,24	-0,51	-0,54	-1,52	0,13	-1,54
HCC202	ACH-000725	-0,34	-2,18	-0,39	-0,07	-1,04	-3,59	-0,25	-0,29	-0,40	-0,52	-0,17	-1,48	-0,04	-2,38
HCC38	ACH-000276	-0,26	-3,04	-0,79	-0,32	-0,74	-3,28	-1,11	-0,55	-0,47	-0,80	-0,08	-1,78	0,13	-1,90
HCC70	ACH-000668	-0,79	-3,10	-0,21	-0,55	-0,46	-3,08	-0,68	-0,12	-0,56	-1,00	-0,24	-2,01	-0,18	-1,47
HMC18	ACH-000721	-0,46	-2,59	-0,09	-0,35	-0,56	-2,65	-0,65	-0,06	-0,33	-0,56	-0,29	-1,43	0,10	-1,00
HS578T	ACH-000148	-0,26	-2,35	-0,24	-0,51	-0,50	-3,15	-0,29	-0,21	-0,45	-0,36	-0,18	-1,48	0,05	-1,09
JIMT1	ACH-000711	-0,45	-2,54	-0,32	-0,25	-0,24	-2,45	-0,40	-0,24	-0,20	-0,46	-0,41	-1,52	0,05	-0,87
KPL1	ACH-000028	-0,63	-2,15	-0,04	-0,32	-0,80	-1,83	-0,48	-0,08	-0,45	-0,35	-0,22	-1,52	0,00	-1,70
MCF7	ACH-000019	-0,41	-1,91	0,01	-0,21	-0,55	-2,84	-0,77	-0,16	-0,73	-0,65	-0,06	-1,49	-0,05	-1,69
MDAMB157	ACH-000621	-0,54	-2,74	-0,20	-0,37	-1,51	-3,03	-0,46	-0,02	-0,18	-0,76	-0,88	-1,66	0,01	-1,72
MDAMB231	ACH-000768	-0,36	-2,15	-0,01	-0,18	-0,31	-2,27	-0,30	-0,06	-0,32	-0,82	-0,25	-1,38	0,06	-0,87
MDAMB361	ACH-000934	-0,45	-2,31	-0,11	-0,37	-0,54	-2,98	-0,27	0,05	-0,37	-0,55	-0,03	-0,90	0,09	-3,29
MDAMB415	ACH-000876	0,00	-2,32	-0,19	-0,01	-0,51	-3,70	-0,35	0,01	-0,40	-0,20	-0,11	-1,78	0,11	-2,25
MDAMB436	ACH-000573	-0,13	-1,80	-0,35	-0,46	-0,43	-3,11	-0,42	-0,16	-0,62	-0,17	-0,23	-1,71	0,08	-1,13
MDAMB453	ACH-000910	-0,05	-2,31	-0,34	-0,38	-1,07	-3,70	-0,46	-0,08	-0,63	-0,41	-0,19	-1,36	-0,01	-2,14
MDAMB468	ACH-000849	-0,13	-2,92	-0,13	-0,27	0,03	-3,46	-0,90	-0,16	-0,12	-0,78	-0,20	-1,68	-0,35	-1,25
MFM223	ACH-001819	-0,94	-2,60	-0,50	-0,24	-0,43	-3,30	-0,89	-0,35	-0,22	-0,52	-0,02	-1,67	-0,02	-1,47
OCUBM	ACH-002179	-1,33	-2,56	0,14	-0,60	-0,98	-2,75	-1,18	0,09	-0,19	-0,88	0,09	-2,31	0,05	-2,02
SKBR3	ACH-000017	-0,58	-2,21	-0,17	-0,02	-0,46	-3,00	-0,47	-0,10	-0,22	-0,87	-0,19	-1,47	0,05	-1,03
SUM102PT	ACH-001388	-0,04	-2,16	-0,07	-0,48	-0,89	-3,25	-0,44	-0,15	-0,57	-0,53	-0,14	-1,28	-0,04	-1,43
SUM1315MO2	ACH-001389	-0,08	-3,20	-0,01	-0,29	-0,38	-2,84	-0,22	-0,38	-0,17	-0,67	-0,09	-1,35	-0,10	-1,28
SUM149PT	ACH-001390	-0,19	-1,82	0,06	-0,53	-0,47	-2,68	-0,41	0,03	-0,51	-0,64	-0,59	-0,91	-0,10	-0,77
SUM159PT	ACH-001391	-0,42	-2,38	-0,06	-0,09	-0,42	-3,02	-0,55	-0,15	-0,38	-1,29	-0,43	-1,63	-0,16	-1,60
SUM185PE	ACH-001392	-0,33	-2,30	-0,13	0,02	-0,38	-2,56	-0,66	-0,14	-0,26	-0,97	-0,11	-1,26	0,04	-1,57
SUM190PT	ACH-001393	-0,12	-1,74	-0,15	-0,27	-0,63	-3,64	-0,39	-0,12	-0,19	-0,46	-0,04	-1,23	0,11	-1,43
SUM229PE	ACH-001394	-0,16	-3,07	-0,60	-0,34	-0,47	-2,24	-0,47	-0,25	-0,47	-0,71	-0,03	-1,94	-0,18	-0,81
SUM52PE	ACH-001396	-0,34	-1,51	-0,18	-0,53	-0,53	-3,14	-0,52	-0,12	-0,75	-0,55	-0,23	-0,73	-0,07	-2,20
T47D	ACH-000147	0,11	-2,05	-0,14	-0,08	-0,29	-2,79	-0,38	-0,16	-0,26	-0,32	-0,06	-1,35	0,11	-1,44
UACC893	ACH-000554	-0,40	-0,84	-0,12	-0,22	-1,28	-3,87	-0,53	-0,07	-0,21	-0,46	-0,02	-0,55	0,22	-2,59
VP229	ACH-001419	-0,25	-1,93	-0,30	-0,44	-0,41	-2,94	-0,13	-0,29	-0,32	-0,72	-0,32	-1,42	0,05	-1,40
ZR751	ACH-000097	-0,22	-2,37	-0,21	-0,64	-0,71	-3,18	-0,43	-0,18	-0,68	-0,54	-0,08	-1,37	-0,25	-1,96

Supplemental Table S6: DepMap analysis of MT-Rel gene depletion on viability of 47 breast cancer cell lines.