

>18S1

4 24 30 45 52
TAGCCGTTTCTCAGGCTCCCTCTCCGGAATCGAACCCTGATTCCCCGTCACCCTGGTCACCATGGTAGGCA
72 75 85 104 108 117 120 123 128 135 139
CGGCGACTACCATCGAAAGTTGATAGGGCAGACGTTCGAATGGGTCTCGCCGCCACGGGGGGCGTGCAG
143 148 173 176 179 183 190 194 200
TCGGCCCGAGGTTATCTAGAGTCACCAAAGCCGCCGCGCCCGCCCCCGGCCCGGGGCGCGAGAGGGGCT
215 242
GACCGGGTTGGTTTGTATCTGATAAATGCACG

>28S

29 56 62
GTATTTAGCCTTAGATGGAGTTTACCACCCTTTGGGCTGCATTCCCAAGCAACCCGACTCCGGAAGACC
72 78 81 83 86 93 99 110 116 128
CGGGCCCGGCGCGCGGGGGCCGCTACCGGCCTCACACCGTCCACGGCTGGGCCTCGATCAGAAGGACT
153 157 160 163 170 179 183 195 197 202 205 207
TGGGCCCCCAGAGCGGCGCGGGGAGCGGGTCTTCGTACCGCCACATGTCCCGCGCCCCCGCGCGGGG
212 220 223 246 249
CGGGGATTCGGCGCTGGGCTCTTCCTGTTCACTCGCGTTACTGAGGGAATCCTGGTTAGTT

>Alu

26 30 38 40 42 62
TCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGGCGCGCGCCTGTAATCCAGCTACTCGGGAGGCT
84 94 101 118 124 126
GAGGCAGGAGAATCGCTTGAACC CGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCC
AGCCTGG

>LINE-L1

27. 34. 37 49 61 70
CTCTGAGCCAGGTGTGGGATATAGTCTCGTGGTGCGCCGTTTCTTAAGCCGCTGTAAGCGCAATATTC
85 99 103 123
GGGTGGGAGTGACCCGATTTTCCAGGTGCGTCGTCACCCCTTTCTTTGACTCGGAAAGGGAACTCCCTGA
149 173 183 188 190 194 199
CCCCTTGCGCTTCCCAGGTGAGGCAATGCCTCGCCCTGCTTCGGCTCGCGCACCGGTGCGCACACACTGG
217
CCTGCGCCCACTGTCTGGCACTCCCTAGTGAG

>RiboProm1

5 27 36 38 42 50 59 65
GTCCCCTGTGTAGCTAGGCAGAGCTCCGGAAGCCCGCGGTCTCAGCCCGGCTGGCCCGGTGGCGCCA
79 81 84 106 135
GAGCTGTGGCGCGTCTTGTGAGTCACAGCTCTGGCGTGCAGGTTTATGTGGGGGAGAGGCTGTCTGCTG
140 152 154 157 161 173 178 182 189 191 194 203
CGCTTCTGGGCCCGCGGCGGGCGTGGGGCTGCCCGGGCCGCGTCCGACCAGCGCGCGTAGCTCCCGAGGCC
210 215 217 222 224 232 232 235 237 244 246 260
CGAGCCCGCGACCCCGCGGGGACCCGCGCGCGTGGCGCGGGAGGCTGGGGAAGCCCTTCC

>RiboProm2

GTGTCCTTGGGTTGACCAGAGGGCCC²⁶CG³⁰GG³⁵CGCTC⁴⁷CGTGTGTGGCTG⁵⁶CGATGGTGG⁵⁶CGTTTTTGGGGACA
GGTGT⁷⁶CG⁸¹TGT⁸³CG⁸⁵CG⁸⁸CGCCTGGGC⁹⁷CG¹⁰⁰CG¹⁰³GCGTGGT¹⁰⁹CGGTGA¹¹⁵CG¹¹⁷CGACCTCC¹²⁵CG¹³¹GGGGGAG
GTATATCTTT¹⁴⁹CG¹⁵⁴CTC¹⁵⁹CGAGT¹⁷²CG¹⁷⁵GCATTTTGGGCC¹⁷²CG¹⁷⁵GGTTATTGCTGACA¹⁹¹CGCTGTCCTCTGG²⁰⁴CGACCTG
²¹²
T²¹²CGCTGGAGAGGTTGGGCCTTGGGATG